



Appel à communications
3^{ème} Colloque des Zones Ateliers
Les sciences à la rencontre de l'aménagement des territoires
14 - 16 octobre 2015
Campus Gérard-Mégie - 3 rue Michel-Ange
Paris

Les communautés fongiques des prairies de montagne, vues à la loupe des Omics : liens avec les communautés végétales et l'usage des terres.

Jean-Marc Bonneville¹, Nicolas Legay¹, Sandra Lavorel¹, Jean-Christophe Clément¹, Christelle Melo de Lima¹, Christine Oger³, Roland Marmeisse⁴, Fabrice Bertile⁵, Jeremy Puissant², Lauric Cécillon², et Roberto A Geremia¹.

Zone Atelier Alpes. CNRS : Laboratoire d'Ecologie Alpine¹, philippe.choler@ujf-grenoble.fr
IRSTEA : UR EMGR², thomas.spiegelberger@irstea.fr

³ Laboratoire de Biométrie et Biologie évolutive, Université Lyon 1,

⁴ Ecologie Microbienne, Université Lyon 1.

⁵ Institut Pluridisciplinaire Hubert Curien, CNRS Strasbourg

Session dans laquelle s'inscrit votre proposition de communication*

- Biodiversité et services écosystémiques
- Risques environnementaux
- Quand les scientifiques rencontrent les gestionnaires
- Communication ma thèse en 5 minutes
- Communication par affiche

RÉSUMÉ

Les variations de composition des communautés fongiques ont été suivies le long d'un gradient de fertilisation azotée dans trois pays. On observe des variations notables dans l'abondance des taxons fongiques selon l'usage des terres. Les traits végétaux rendent compte d'une partie importante de ces variations.

Par ailleurs, la comparaison de deux écosystèmes subalpins contrastés révèle des variations parallèles dans leur composition floristique, dans la composition du mycobiome et dans l'éventail des fonctions biochimiques qu'ils expriment.

Enfin, la proportion relative de champignons et de bactéries dans le sol, considérée comme dépendante de la stratégie dévoreuse ou malthusienne d'acquisition de ressources minérales par les plantes, a été réexaminée par l'examen des séquences d'ARN ribosomique du sol. Les résultats de cette nouvelle technique ne concordent pas à ce jour avec ceux de la technique classique de PLFA.

MOTS CLES

Analyses statistiques multivariées, Bioinformatique, Interactions sol-couvert végétal, Metabarcoding, Métatranscriptomique.